bitBiome

真核生物RNA-seqキャンペーン

国内自社ラボ完結、解析付きの限界突破キャンペーン

キャンペーン期間：2027年1月29日(金)サンプル到着分まで

真核生物RNA-seq

サンプルQC／シーケンス(150PE)／データ解析(下記参照)

納品物：fastq／各種カウント・配列データ／解析レポート

標準納期：検体受領より6週間※1

標準データ量：6Gb(40M reads)※2

9検体以上の場合

¥ 22,000

/検体(税抜)

国内の自社ラボ完結
早稲田大のラボで一気通貫対応

データ解析付き
発現解析から群間比較まで

結果説明にもご対応
解析担当者が技術フォロー

サンプル種	サンプル要件
Total RNAサンプル	濃度 ≧50ng/μL,≧20μL(推奨RIN値 ≧7)

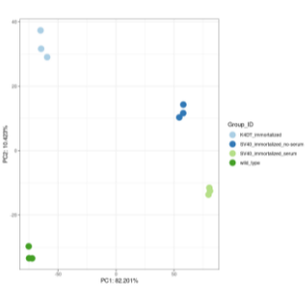
解析前後の技術サポートからカスタマイズ作業まで柔軟対応

- ✓ サンプル準備の相談
- ✓ 結果説明・QAサポート
- ✓ RNA抽出対応
- ✓ 過去のシーケンスデータとの統合解析
- ✓ rRNA除去対応(哺乳類・植物…etc)

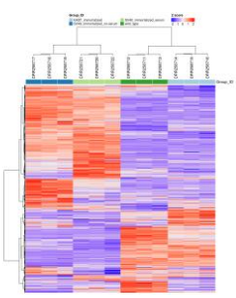
充実した解析パッケージ※3

RNA-seqの基本となる各種解析パッケージが付いてます。研究目的に応じた群間比較など、柔軟な解析に対応します

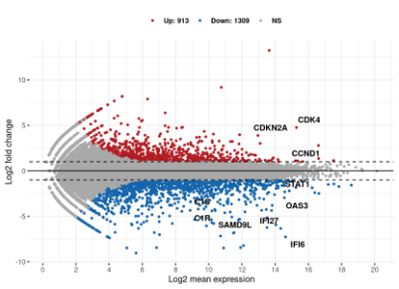
- ✓ マッピング・カウント
- ✓ 階層的クラスタリング
- ✓ 変動遺伝子解析 (MA/Volcano plot)
- ✓ 正規化（FPKM/TPM）
- ✓ 相関分析 / 主成分分析
- ✓ GO解析



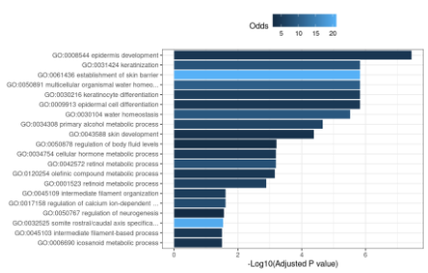
主成分分析(PCA)



クラスタリング



DEG解析(MA plot)



GO解析(エンリッチメント解析)

※1：QCで問題ない場合の納期です。サンプル再提出の場合はご相談になります。

※2：データ量は目安です。データ保証プランをご希望の方はご相談ください。

※3：モデル生物以外の場合はご相談ください。
群間比較は1群あたり3検体以上のデータが必要です

解析レポート例（RNA-seq）

bitBiome

微生物RNA-seqキャンペーン

バクテリアから酵母、マイクロバイオームまで多様な生物種に対応

キャンペーン期間：2027年1月29日(金)サンプル到着分まで

メニュー	データ量／リード数(目安)	キャンペーン価格
原核生物RNA-seq (＋rRNA除去, データ解析)	1.5Gb／40M read	**¥34,000**/検体(税抜)
酵母RNA-seq (＋*S. cerevisiae*用 rRNA除去, データ解析)	3.0Gb／10M read	**¥38,000**/検体(税抜)
メタトランスクリプトーム (＋rRNA除去, データ解析)	6.0Gb／40M read	**¥41,000**/検体(税抜)
＋ RNA抽出	—	**¥15,000**/検体(税抜)

1検体から割引適応、多検体の場合の数量割引も可能です

国内の自社ラボ完結
早稲田大のラボで一気通貫

rRNA除去付き
各種専用のキットで対応

核酸抽出もご対応
菌株・環境サンプルから対応

作業内容（標準納期：6週間※1）

1. RNA QC、rRNA除去
2. ライブラリ作製
3. シーケンス(150PE)
4. データ解析※2
   - ✓ マッピング・カウント
   - ✓ 正規化（FPKM/TPM）
   - ✓ 階層的クラスタリング
   - ✓ 相関分析 / 主成分分析
   - ✓ 変動遺伝子解析 (MA/Volcano plot)
   - ✓ GO解析(※*S. cerevisiae*のみ)

※1：QCで問題ない場合の納期です。サンプル再提出・追加シーケンス発生時はご相談になります。
※2：解析にあたり、必ずリファレンス情報(アクセッション番号、またはfna・gffファイル）をご提供ください。
群間比較は1群あたり3検体以上のデータが必要です。

サンプル種	サンプル要件※3
Total RNAサンプル	濃度 ≧50ng/μL,≧20μL(推奨RIN値 ≧7)
微生物株サンプル※4	細胞数：≧1.0 ×10^9 cells、湿重量20mg以上

※3 ：サンプル量・品質が要件量に未達の場合もご相談可能です。
※4：品質低下を避けるため、採取後はできる限りお早めのRNA shield等の保存液で処理をお願いします。

bitBiome
E-mail: service@bitbiome.co.jp
〒162-0041 東京都新宿区早稲田鶴巻町513
早稲田大学121号館 415号室

お問い合わせ先

販売代理店

Ver1.0 2026年11月2日作成

bitBiome

PacBio Revio™ ロングリードキャンペーン

キャンペーン期間：2027年1月29日(金)サンプル到着分まで

DNAが足りずPacBioを諦めた経験はありませんか？

bitBiomeなら

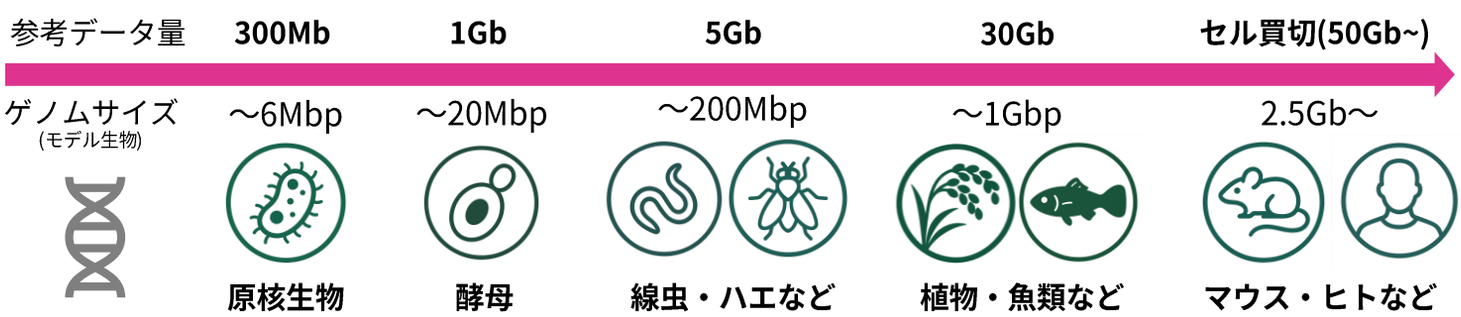
最小1ngのDNAからご相談可

No.1：データ量別・解析付きプラン

必要な分のデータを確実に取得したい方へ

取得データ量	定価/検体(税別)	キャンペーン価格/検体(税別)
300Mb(細菌向け)	~~¥150,000~~	4検体以上で **¥100,000**
1Gb	~~¥210,000~~	3検体以上で **¥150,000**
5Gb	~~¥350,000~~	1検体から **¥300,000**
10Gb	~~¥400,000~~	1検体から **¥350,000**
30Gb	~~¥550,000~~	1検体から **¥450,000**

- 国内の自社ラボ完結
- 核酸抽出・解析付き※1
- データ量保証あり※2



※1：DNA抽出は、生物種によりご相談になります

※2：複数回シーケンス実施時に得られない場合はご相談になります。

No.2：フローセル買い切りプラン※3

多検体で効率よくデータを取得したい方へ

- ✓ 抽出・解析不要でシーケンスだけしたい
- ✓ 多検体でコストを抑えてデータが欲しい
- ✓ 手早くシーケンスデータが欲しい

シーケンス(+ 1検体ライブラリ作製)		追加ライブラリ作製
¥630,000 /セル(税抜)	+	**¥40,000** /検体(税抜)

PacBio Revio SPRQセル(データ量50Gb~)を買切り、希望の検体数でシーケンスします（標準納期：30営業日)

※3：買い切りシーケンスのため本プランはデータ保証の対象外です

サンプル種	サンプル量
ゲノムDNA	DNA量 ≧1.5μg推奨（下限**300ng**まで受け入れ可）
微量DNA(PCRあり)	最小**1ng**まで受け入れ可
培養株サンプル（微生物）	細胞数：5 ×10^9 cells以上(湿重量：100mg以上)が目安

作業内容：データ量別・解析付きプラン（標準納期：40営業日※4）

1. DNA抽出
2. ライブラリ作製・QC
3. シーケンス
4. 基本データ解析

基本データ解析

- **全ゲノム解析：**アセンブリ、遺伝子・生物系統推定
- **メタゲノム解析：**アセンブリ、菌叢解析、MAG解析、遺伝子推定
- **メチル化解析：**メチル化確率の計算（4mC／6mAまたは5mC）

※4：QCで問題ない場合の納期です。追加シーケンス、検体再送時はご相談になります

解析レポート例
（全ゲノム解析）

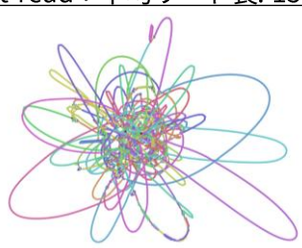
解析レポート例
（メタゲノム解析）

ロングリードシーケンスが更なるゲノムの理解へ

★細菌の完全長ゲノムの取得が可能に

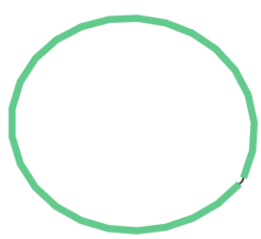
例：Parasutterella gallistercoris(腸内細菌の1種)

Short-read：平均リード長: 150 bp



Contig数: 289

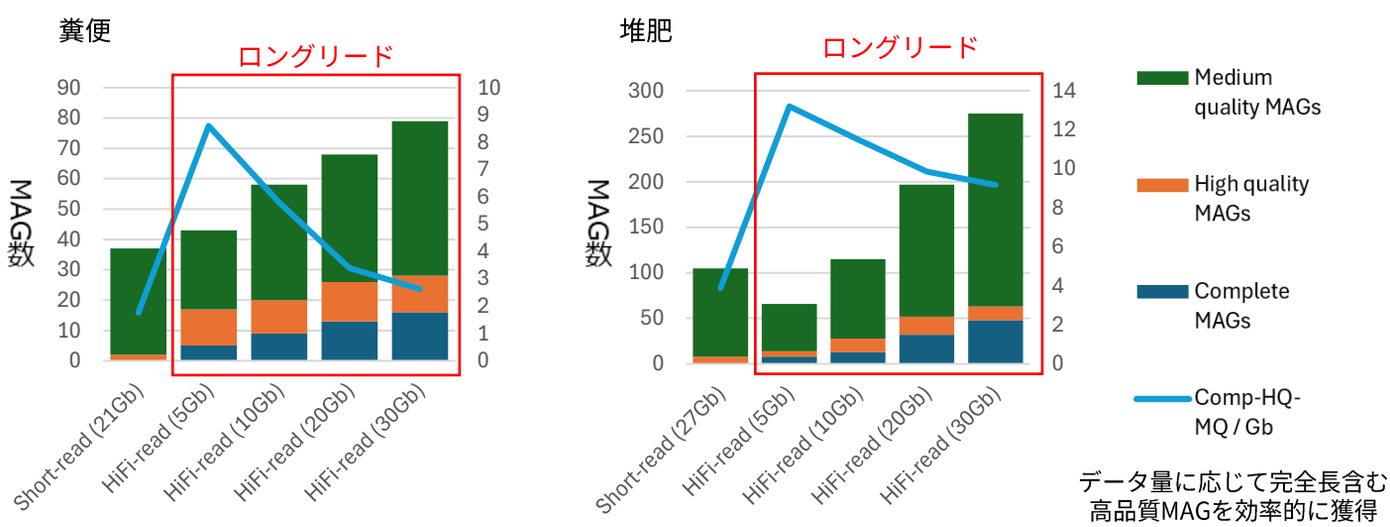
PacBioロングリード：平均リード長: 9,207 bp



Contig数: 1 (完全長ゲノム)

★ロングリードにより、完全長を含む高品質MAG(Metagenome-Assembled Genome)を取得

ショートリード・ロングリードメタゲノム解析における獲得MAGの比較



データ量に応じて完全長含む
高品質MAGを効率的に獲得

完全長のゲノム構築、染色体レベルのゲノム比較、リピート配列の解析、高品質のMAGの取得など
従来のショートリードを凌駕する解析を実現します。

bitBiome

E-mail: service@bitbiome.co.jp
〒162-0041 東京都新宿区早稲田鶴巻町513
早稲田大学121号館 415号室

お問い合わせ先

販売代理店

Ver1.0 2026年11月4日作成