# bitBiome

# RNA-seq解析 特別キャンペーン

**2026年3月31日（火） 注文分まで適用**

**※3月末までの納品希望の場合、1月末までのサンプル到着分まで受付**

## 限られた時間で、新たな発見を導く充実の発現解析パッケージ

## キャンペーン紹介

### スタンダード解析Plan

- ✓ データQC
- ✓ マッピング・カウント
- ✓ FPKM値/TPM値算出

シーケンスを1検体からのご依頼で

**無料**

### アドバンス解析Plan

**50%以上 OFF!!**

スタンダード解析の内容に加え、以下を実施

- 相関分析 / 主成分分析
- 階層的クラスタリング
- ヒートマップ描画
- 変動遺伝子解析 (MA/Volcano plot)
- Gene Ontology (GO)解析

◆ データ解析のみのご依頼で

**￥15,000/検体**

◆ シーケンス9検体までのご依頼で

**￥10,000/検体**

◆ 更にシーケンス10検体以上で

**無料**

## シーケンスメニュー一覧

| メニュー | データ量／リード数(目安) | 推奨サンプル要件 | 定価(検体) |
|---|---|---|---|
| **真核生物RNA-seq** | 6.0Gb／40M read | total RNA ≧1μg<br>(≧50ng/μL,≧20μL)<br>RIN値 ≧7 | ¥40,000 |
| **原核生物RNA-seq**<br>(＋rRNA除去) | 1.5Gb／10M read | | ¥38,000 |
| **メタトランスクリプトーム**<br>(＋rRNA除去) | 6.0Gb／40M read | | ¥46,000 |
| **Total RNA抽出** | — | ヒト・マウス・微生物等<br>各種ご相談 | ￥15,000~ |

### 作業内容（標準納期：6-8週間）

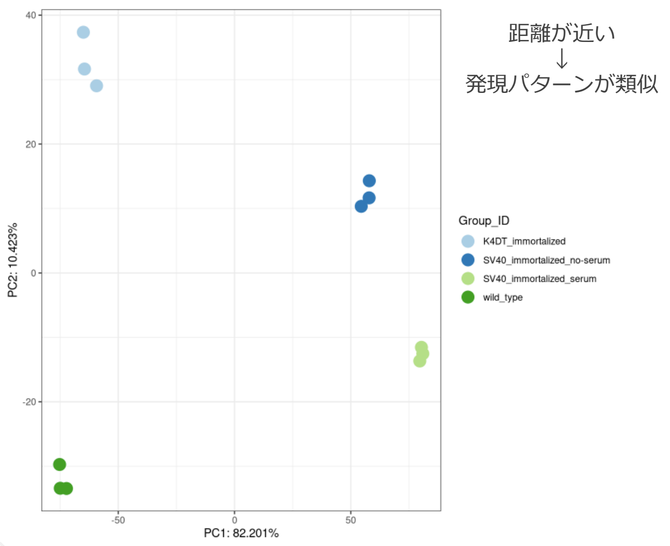
1. RNA QC
2. ライブラリ作製
3. シーケンス
4. データ解析(以下のいずれか)
   - **スタンダード解析**
   - **アドバンス解析**
   - **カスタマイズ解析**（ご相談ください）

### 納品物(アドバンス解析の場合)

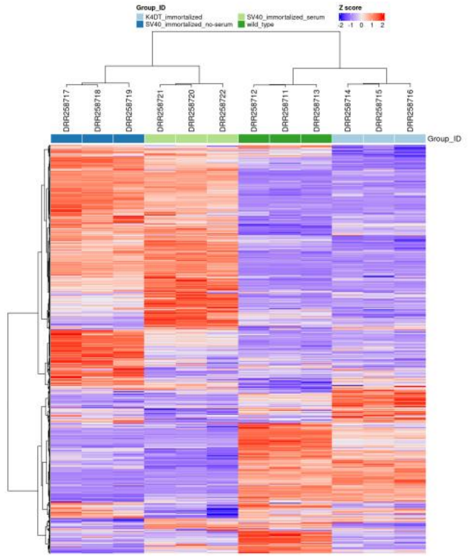
1. シーケンスデータ(fastq)
2. リードマッピング・カウント結果
3. 各種解析結果・レポート

# アドバンス解析（解析の一部事例）

## 1.　主成分分析
- サンプルの群分け、外れ値を俯瞰する

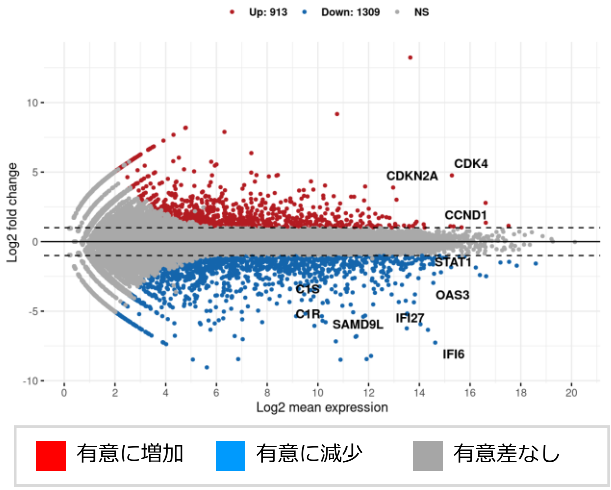



## 2. 階層的クラスタリング解析
- 遺伝子と検体間の発現パターンを調べる



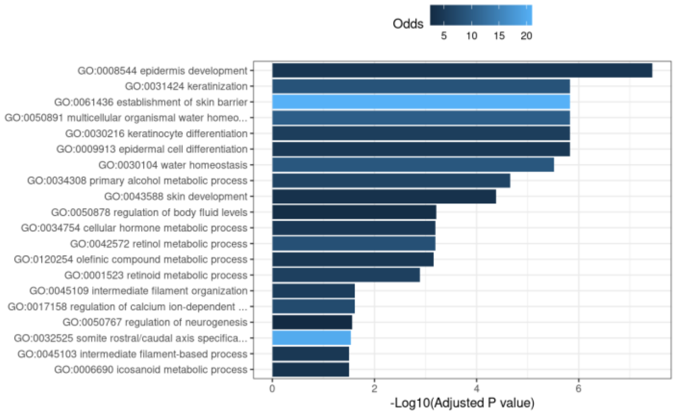

## 3. 変動遺伝子解析(DEG解析)
- 群間で有意に変動した遺伝子を特定する

### DEG解析（MA plot）




## 4. GO解析(Gene Onthology)
- 変動した遺伝子群の機能を探る

### エンリッチメント解析




**変動遺伝子から機能解析まで必要な解析を1パッケージでご提供**


**お問い合わせはこちら**
E-mail: service@bitbiome.co.jp
Web: https://www.bitbiome.co.jp/
〒162-0041
東京都新宿区早稲田鶴巻町513
早稲田大学121号館 415号室

問い合わせはこちら


代理店

Ver1.0 2025年12月23日作成