

# PacBio Revio™

## ロングリードシークエンスキャンペーン

ご好評につき期間延長！2026年2月27日（金）注文分まで

※3月末までの納品希望の場合、1月末までのサンプル到着分まで受付可



DNA抽出込み



データ解析込み



国内の自社ラボで実施

### No.1 : 全ゲノム解析 / メタゲノム解析 / メチル化解析

✓ データ量：300Mbプラン（細菌向け）

通常価格

¥150,000 /検体

4検体以上の注文で

¥100,000 /検体

（税別）

✓ データ量：5Gbプラン

通常価格

¥505,000

2検体以上の注文で

¥360,000 /検体

（税別）

✓ データ量：1Gbプラン

通常価格

¥210,000 /検体

3検体以上の注文で

¥150,000 /検体

（税別）

✓ 1セル買切プラン(50Gb～)

通常価格

¥800,000

2セル以上の注文で

¥600,000 /検体

（税別）

その他のデータ量、1検体のみでも値引き！

参考データ量 300Mb 1Gb 5Gb 20Gb セル買切(50Gb～)

ゲノムサイズ  
(モデル生物)



~6Mbp



原核生物

~20Mbp



酵母

~200Mbp



線虫・ハエなど

~1Gbp



メダカなど

2.5Gb～



マウス・ヒトなど

★ゲノム解析の場合は推定ゲノムサイズの20-30倍、メチル化解析の場合は10倍以上、メタゲノム解析は5Gb以上のデータ量を推奨

### No.2 : ロングアンプリコン解析（全長16S / 18S / ITS各種）

通常価格

¥50,000

/検体（税別）

8検体以上の注文で

¥25,000

/検体（税別）

さらに！24検体以上で

¥21,000

/検体（税別）

#### ★解析対象（参考）

細菌の場合は全長16S(V1-V9)、真菌の場合は全長ITS、真核生物の場合は全長18Sを推奨

1検体あたり3~6万リードを目安に取得します。

## 作業内容 (標準納期: 40営業日)

1. DNA抽出	4. 基本データ解析(以下のいずれか)
2. ライブライア作製	・全ゲノム解析: アセンブリ、遺伝子・生物系統推定
3. シーケンス	・メタゲノム解析: アセンブリ、菌叢解析、MAG解析、遺伝子推定
	・メチル化解析: メチル化確率の計算: 4mC/6mAまたは5mC
	・アンブリコン解析: 菌叢解析、α,β-多様性解析

## 納品物

1. シーケンスデータ(fastq)
2. 解析レポート
3. 各種解析・配列データ

## bitBiomeならこれまで困難だった微量サンプルもご相談!

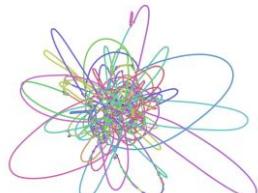
サンプル種	サンプル量
ゲノムDNA*	最小500ngまで相談可
微量DNA	最小1ngまで相談可
培養株サンプル (微生物)	細胞数: $5 \times 10^9$ cells以上(湿重量: 100mg以上)が目安
糞便、土壤、海水、温泉などメタゲノムサンプル、その他真核生物についてはご相談ください	

## ロングリードシーケンスが更なるゲノムの理解へ

### ★完全長ゲノムが獲得可能に

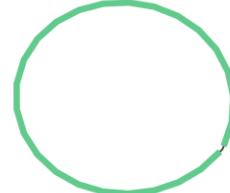
例: *Parasutterella gallistercoris* (腸内細菌の1種)

Short-read: 平均リード長: 150 bp



Contig数: 289

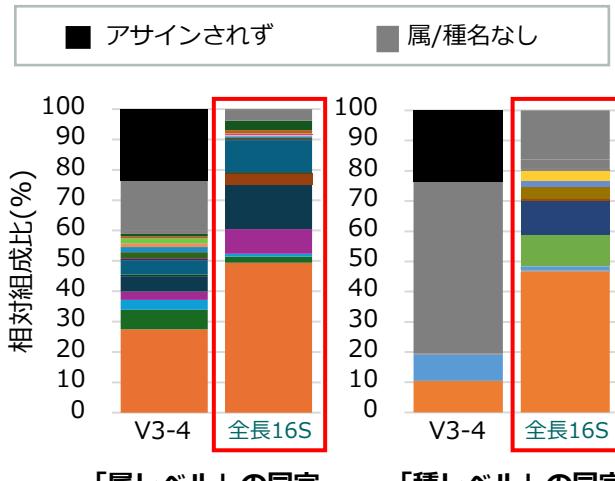
PacBioロングリード: 平均リード長: 9,207 bp



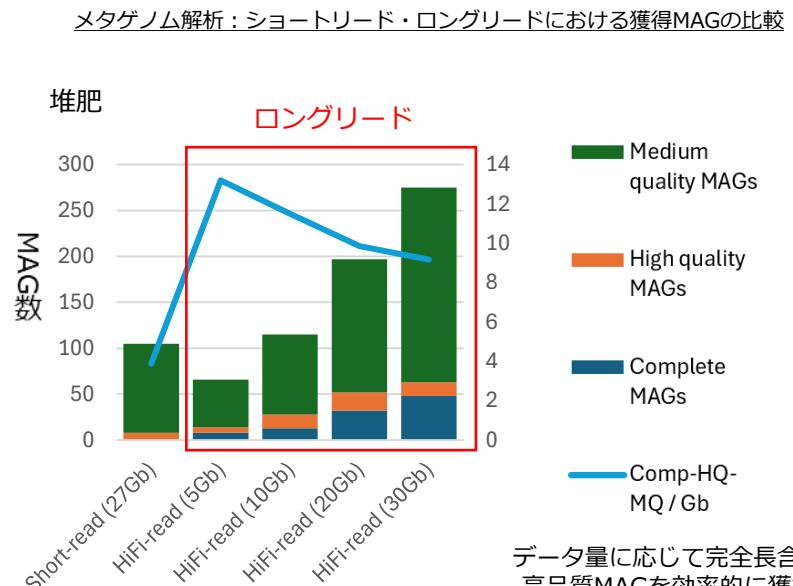
Contig数: 1 (完全長ゲノム)

### ★微生物叢の高精度な解析が可能に

アンブリコン解析: 従来法(V3-4)と全長16S rRNA解析の比較



従来法のアンブリコン解析では難しい種の同定も可能に



データ量に応じて完全長含む  
高品質MAGを効率的に獲得

## bitBiome株式会社

E-mail: service@bitbiome.co.jp

Web: <https://bitbiome.co.jp/service/>

〒162-0041 東京都新宿区早稲田鶴巻町513  
早稲田大学121号館 415号室



お問合せ先

## 代理店

Ver2.0 2025年11月19日作成