

ロングリードシーケンスキャンペーン

ご好評につき期間延長！2025年2月27日（金）ご注文分まで
※ 3月末までの納品希望の場合、1月末までのサンプル到着分まで受付可



DNA抽出込み



データ解析込み



技術サポート込み

No.1 : 全ゲノム解析 / メタゲノム解析 / メチル化解析

✓ データ量 : 300Mbプラン(細菌向け)

通常価格
¥150,000 /検体

4検体以上の注文で
¥100,000 /検体 (税別)

✓ データ量 : 5Gbプラン

通常価格
¥505,000

2検体以上の注文で
¥360,000 /検体 (税別)

✓ データ量 : 1Gbプラン

通常価格
¥210,000 /検体

3検体以上の注文で
¥150,000 /検体 (税別)

✓ 1セル買切プラン(90Gb~)

通常価格
¥800,000

2セル以上の注文で
¥600,000 /検体 (税別)

その他のデータ量、1検体のみでも値引き！

参考データ量	300Mb	1Gb	5Gb	20Gb	セル買切(90Gb~)
ゲノムサイズ (モデル生物)	~6Mbp	~20Mbp	~200Mbp	~1Gbp	2.5Gb~
					
	原核生物	酵母	線虫・ハエなど	メダカなど	マウス・ヒトなど

★ゲノム解析の場合は推定ゲノムサイズの20-30倍、メチル化解析の場合は10倍以上、メタゲノム解析は5Gb以上のデータ量を推奨

No.2 : ロングアンプリコン解析（全長16S / 18S / ITS各種）

通常価格
¥50,000 /検体 (税別)

8検体以上の注文で
¥25,000 /検体 (税別)

さらに！24検体以上で
¥21,000 /検体 (税別)

★解析対象(参考)

細菌の場合は全長16S(V1-V9)、真菌の場合は全長ITS、真核生物の場合は全長18Sを推奨

作業内容（標準納期：40営業日）

1. DNA抽出
2. ライブラリ作製
3. シーケンス
4. 基本データ解析(以下のいずれか)
 - ・全ゲノム解析：アセンブリ、遺伝子・生物系統推定
 - ・メタゲノム解析：アセンブリ、菌叢解析、MAG解析、遺伝子推定
 - ・メチル化解析：メチル化確率の計算：4mC/6mAまたは5mC
 - ・アンプリコン解析：菌叢解析、 α 、 β -多様性解析

納品物

1. シーケンスデータ(fastq)
2. 解析レポート
3. 各種解析・配列データ

bitBiomeならこれまで困難だった微量サンプルもご相談！

サンプル種	サンプル量
ゲノムDNA※	最小 500ng まで相談可
微量DNA	最小 1ng まで相談可
培養株サンプル（微生物）	細胞数：5 × 10 ⁹ cells以上(湿重量：100mg以上)が目安

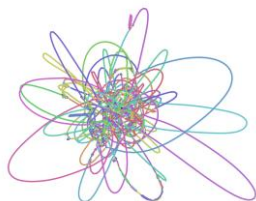
糞便、土壌、海水、温泉などメタゲノムサンプル、その他真核生物についてはご相談ください

ロングリードシーケンスが更なるゲノムの理解へ

★完全長ゲノムが獲得可能に

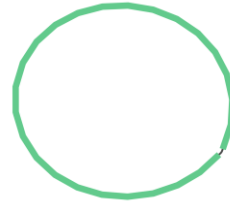
例：Parasutterella gallistercoris (腸内細菌の1種)

Short-read：平均リード長：150 bp



Contig数：289

PacBioロングリード：平均リード長：9,207 bp

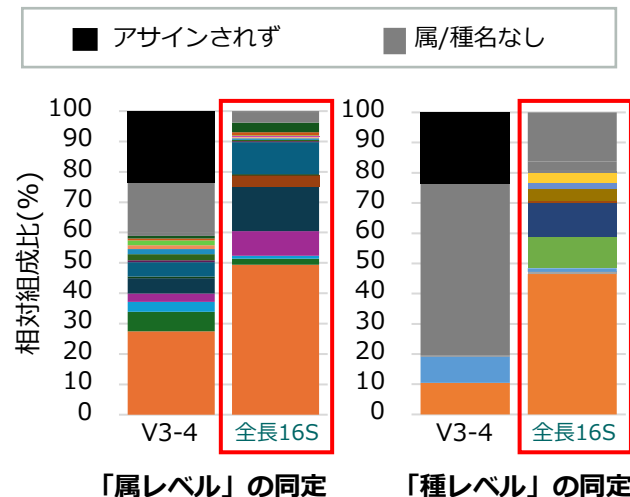


Contig数：1 (完全長ゲノム)

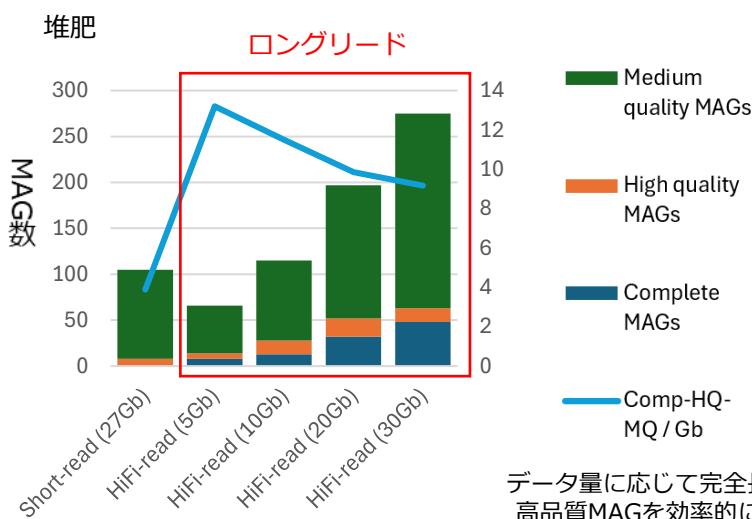
★微生物叢の高精度な解析が可能に

アンプリコン解析：従来法(V3-4)と全長16S rRNA解析の比較

メタゲノム解析：ショートリード・ロングリードにおける獲得MAGの比較



従来法のアンプリコン解析では難しい種の同定も可能に



データ量に応じて完全長含む高品質MAGを効率的に獲得

bitBiome株式会社

E-mail: service@bitbiome.co.jp

Web: <https://bitbiome.co.jp/service/>

〒162-0041

東京都新宿区早稲田鶴巻町513

早稲田大学121号館 415号室



お問合せ先

代理店

Ver2.0 2025年11月19日作成