

RNA-seq解析・ メタトランスクリプトーム解析

サービスの特徴

- ✓ 4検体から依頼できるお手頃メニュー
- ✓ 全ての作業を「国内ラボ」で実施の安心体制
- ✓ ヒト・マウスから細菌など多様な検体の「RNA抽出から」ご対応可能です

メニュー	データ量/リード数	標準納期*	サンプル要件	定価 (税別/検体)
真核生物RNA-seq	6Gb/40M read	30営業日	濃度50ng/μL以上で≥20μL以上 (総量: 1μg以上) RIN値 ≥7推奨	¥40,000
真核生物RNA-seq (RNA抽出有)	6Gb/40M read	35営業日	ヒト,マウスなど その他もご相談ください	¥60,000
原核生物RNA-seq (rRNA除去)	1.5Gb/10M read	30営業日	濃度50ng/μL以上で≥20μL以上 (総量: 1μg以上) RIN値 ≥7推奨	¥38,000
原核生物RNA-seq (rRNA除去・RNA抽出)	1.5Gb/10M read	35営業日	細菌株サンプル (1.0×10^9 cells 推奨)	¥53,000
メタトランスクリプトーム (rRNA除去)	6Gb/40M read	30営業日	濃度50ng/μL以上で≥20μL以上 (総量: 1μg以上) RIN値 ≥7推奨	¥46,000
メタトランスクリプトーム (rRNA除去・RNA抽出)	6Gb/40M read	35営業日	糞便: 0.3 g程度 唾液: 1 mL程度、 その他もご相談ください	¥64,000

多検体の場合、volume discountも可能です。お見積りください！

※QCで問題ない場合の納期になります

データ解析オプション

スタンダード解析Plan	アドバンス解析Plan	カスタマイズ解析Plan
1. データQC 2. リードマッピング 3. リードカウント 4. FPKM値/TPM値算出	1. スタンダード解析 2. 相関分析 3. 主成分分析 4. 階層的クラスタリング 5. ヒートマップ描画 6. 変動遺伝子解析 (MA plot, Volcano plot) 7. Gene Ontology(GO)解析	パスウェイ解析、融合遺伝子解析、 Transcript SNP解析、 de novo transcriptomeなど、 ご要望に応じて各種対応します。

※ヒト・マウス以外のデータ解析については対象生物ゲノム情報の提出・指定などご相談になります

※メタトランスクリプトームのデータ解析についてはリファレンス等もご相談ください

納品物

解析なし

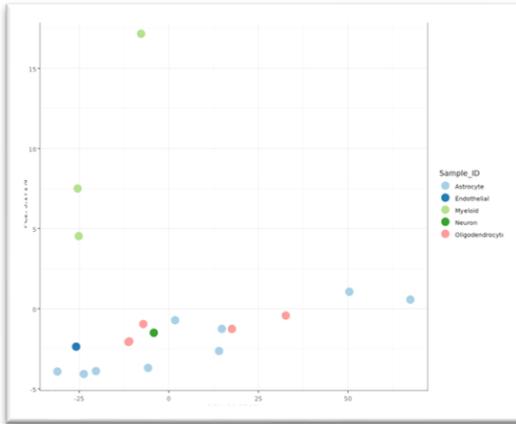
解析あり

シーケンス生データ

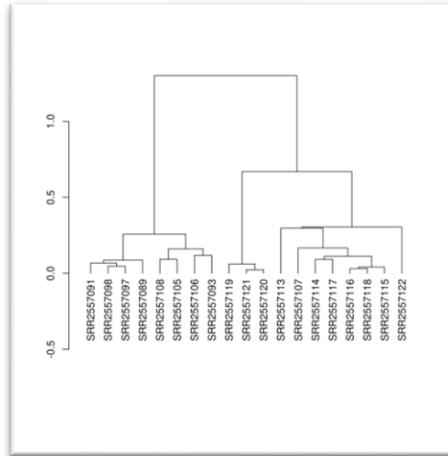
1. シーケンス生データ
2. マッピングとカウント結果
3. 各種解析結果と解析レポート

解析データ (例)

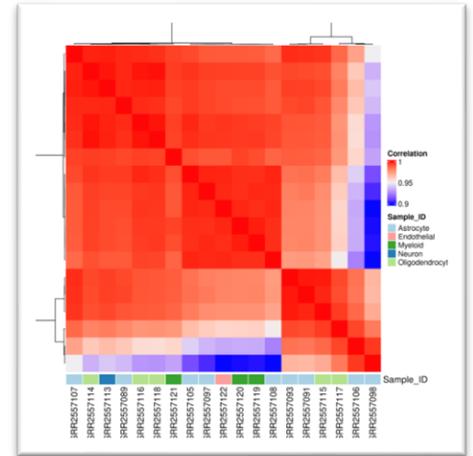
主成分分析



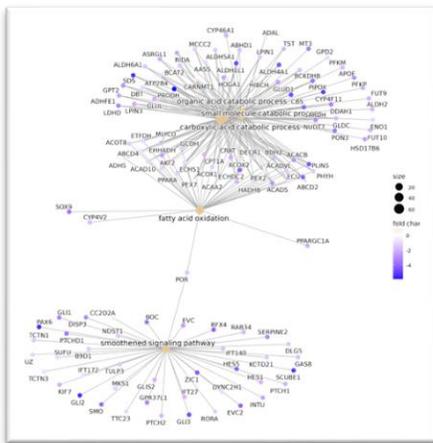
階層的クラスタリング



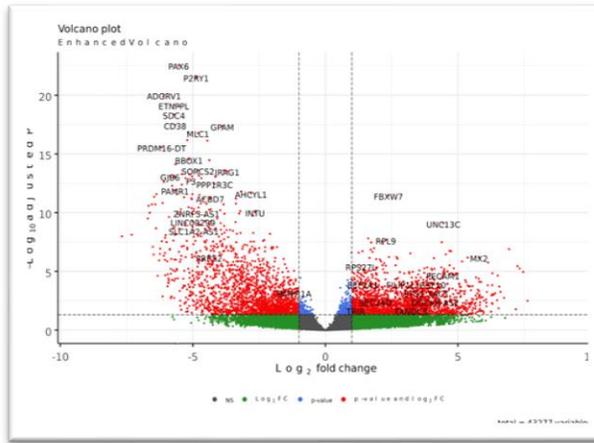
相関分析



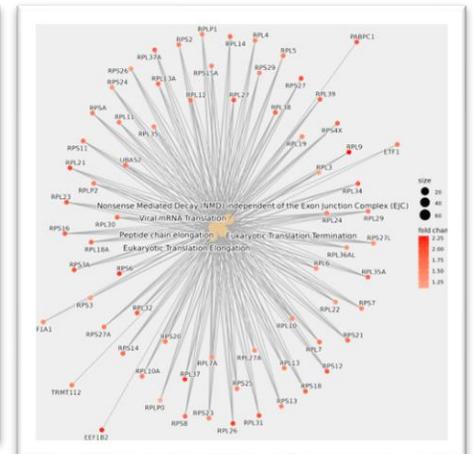
Gene Ontology解析 (GO解析)



変動遺伝子解析 (volcano plot)



パスウェイ解析



お問い合わせはこちら

E-mail: service@bitbiome.co.jp
Web: <https://www.bitbiome.co.jp/>
〒162-0041
東京都新宿区早稲田鶴巻町513
早稲田大学121号館 415号室



お問い合わせはこちら

代理店